

CHROMOSOMAL POPULATION ANALYSIS ON COWS DESCENDANT
FROM A TRANSLOCATION HETEROZYGOTE A.I. BULL IN BAVARIA

M. ENKEN

*Lehrstuhl für Tierzucht der Technischen Universität München
D 8050 Freising-Weihenstephan, B.R.D.*

Between the many types of chromosomal aberrations, the translocations of centric fusion type are very interesting, because they result in change of the form and number of chromosomes of one given species. These aberrations were found in several domesticated animals. In domestic cattle (*B. taurus*) there are at least four different types of centric fusions distributed among different breeds and in various countries. The most frequent centric fusion is the 1/29. This aberration is found with greater frequency between the bests animals used for reproduction. Whether the different types of centric fusion have a positive or negative effect on zootechnical trials is yet unclear, and so also its origin.

In the present work a centric fusion of the 1/29 type in a *Brown Swiss* cattle from Bavaria is described. The centric fusion was found in a very good A.I. bull, and before it was known that it was a 1/29 translocation carrier his semen was used in round 30,000 inseminations. The material studied consists in more than 400 cows who finished at least their first lactation. The parameter studied does not show any important deviations as expected for a normal good producer.

KOPPLUNG ZWISCHEN BIOCHEMISCHEN MARKERGENEN
UND LEISTUNGSEIGENSCHAFTEN BEIM *Braunvieh*

D. ZWIAUER

*Lehrstuhl für Tierzucht der Technischen Universität München
D 8050 Freising-Weihenstephan, B.R.D.*

In Süddeutschland wurde Blut von ca. 1.300 Töchtern von 36 F-1 *Braunvieh*/*Brown-Swiss* Kreuzungstieren entnommen und auf 10 Blutgruppen und 7 biochemische Polymorphismen getestet. Ziel der vorliegenden Arbeit war es, eventuell vorhandene Zusammenhänge zwischen Milch- bzw. Fettleistung und Markergenen nachzuweisen. Die Verwendung von Kreuzungstieren erschien vorteilhaft, da zu erwarten ist, daß gegenüber Reinzuchtstieren aufgrund des höheren Heterozyotiegrades segregierender Leistungsgene, gegebene Unterschiede deutlicher zu Tage treten.

Die Auswertung der Blutgruppen in bezug auf Pleiotropie bzw. Kopplungszusammenhänge zwischen Markergenen und Milch- bzw. Fettleistung mit Hilfe von LSQ-Analysen ergab keine statistisch signifikante Beziehungen.

SELEKTIONSEXPERIMENT AUF EBERGERUCH

W. ALSING (*), R. CLAUS (*), F. PIRCHNER (**) und H. WILLEKE (*)

(*) *Lehrstuhl für Physiologie der Fortpflanzung und Laktation,
D 8050 Freising-Weihenstephan, B.R.D.*

(**) *Lehrstuhl für Tierzucht der Technischen Universität München,
D 8050 Freising-Weihenstephan, B.R.D.*

Im Rahmen eines Selektionsexperimentes auf hohen beziehungsweise niedrigen Ebergeruch wurden aufgrund der Daten der Ausgangspopulation und der 1. Generation folgende Ergebnisse berechnet :

- 1) Die Differenzen zwischen der hoch- und der niederwertigen Linie bei verschiedenem Alter sind signifikant.
- 2) Die Heritabilitätswerte für Ebergeruch am 170., 190. und 210. Tag sind $.68 \pm .11$, $.47 \pm .23$ und $.91 \pm .19$.
- 3) Die genetischen Korrelationen zwischen dem Gewicht und dem Ebergeruch sind 1.47, .86 und .78 für den 170., 190. und 210. Tag.